

# **CURRICULUM VITAE**

*di Paolo Milazzo*

## **DATI PERSONALI**

- Data di nascita: 31 Gennaio 1979
- Luogo di nascita: Budrio (BO)
- Nazionalità: Italiana
- Codice Fiscale: MLZPLA79A31B249C
- Email: [paolo.milazzo@unipi.it](mailto:paolo.milazzo@unipi.it)
- Web: <https://pages.di.unipi.it/milazzo/>

## **FORMAZIONE**

- Dottorato di Ricerca in Informatica, Università di Pisa. Conseguito il 21/06/2007. Titolo della Tesi: *Qualitative and quantitative formal modeling of biological systems*. Relatori: Prof. Roberto Barbuti, Prof. Andrea Maggiolo-Schettini.
- Laurea in Informatica, Università di Bologna. Conseguita il 23/10/2003 con la valutazione di 110/110 con lode. Titolo della Tesi: *Implementazione di un linguaggio di programmazione distribuito*. Relatore: Prof. Cosimo Laneve.

## **POSIZIONI RICOPERTE**

- Dal 1 Novembre 2016, professore associato presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa.
- Dal 30 Dicembre 2011 al 31 Ottobre 2016, ricercatore presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa.
- Dal 1 Gennaio 2011 al 6 Aprile 2011, titolare di borsa di studio per lo svolgimento di ricerche sul tema "Modelli computazionali per l'evoluzione: speciazione simpatica e polimorfismi stabili" presso il Centro Interdipartimentale Museo di Storia Naturale e del Territorio dell'Università di Pisa.
- Dal 1 Gennaio 2007 al 31 Dicembre 2010, assegnista di ricerca presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa.

## **ABILITAZIONE SCIENTIFICA NAZIONALE**

- Abilitazione per il ruolo di professore di prima fascia per il settore concorsuale "01/B1 - Informatica". Validità dell'abilitazione: dal 29/04/2021 al 29/04/2032

## **ATTIVITÀ ISTITUZIONALI**

### **Incarichi in corso di svolgimento**

- Membro della Commissione Scientifica d'Area 01 (Matematica e Informatica) dell'Università di Pisa

- Delegato per le attività di Job Placement del Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa (da marzo 2014)
- Delegato ai Tirocini del Corso di Laurea Triennale in Informatica (da dicembre 2018)
- Membro del gruppo di autovalutazione del Dottorato di Informatica (da aprile 2024)
- Membro del Comitato Scientifico della Fondazione Toscana Life Sciences in rappresentanza dell'Università di Pisa (da novembre 2018)
- Membro del Consiglio Scientifico-Didattico del Centro Interuniversitario per la Promozione dei Principi delle 3R nella Didattica e nella Ricerca (Centro 3R). Web: <https://www.centro3r.it> (da gennaio 2018)
- Membro della Giunta del Centro Interdipartimentale per la Promozione della Salute e Information Technology (Centro ProsIT), dell'Università di Pisa (da dicembre 2022)
- Referente per il Laboratorio di Biomedical and Health Informatics del Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa (da febbraio 2020)
- Referente per il l'unità di Pisa nel Laboratorio Nazionale InfoLife del consorzio CINI (da maggio 2017)

### **Incarichi conclusi**

- Incaricato dal Rettore dell'Università di Pisa per l'analisi dei Ranking Internazionali delle università e il monitoraggio dei dati forniti per i relativi indicatori (da febbraio 2017 a ottobre 2022)
- Membro, su nomina del CdA dell'Università di Pisa, di commissione per la definizione di indicatori per la valutazione della performance operativa di istituzione e delle strutture (da aprile 2020 a ottobre 2022)
- Referente istituzionale, su nomina del Prorettore Vicario, dello spoke 3 e dello spoke 6 dell'Ecosistema per l'Innovazione "Tuscany Health Ecosystem (THE)" finanziato nell'ambito delle iniziative PNRR.
- Membro della Commissione Paritetica del Consiglio dei Corsi di Laurea in Informatica Umanistica (da dicembre 2013 a settembre 2021)
- Membro della Giunta del Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa (da novembre 2016 a ottobre 2020)
- Membro della Commissione Tirocini del Consiglio Aggregato dei Corsi di Laurea in Informatica dell'Università di Pisa (da dicembre 2012 a novembre 2015)

### **Partecipazioni a commissioni di concorso/dottorato/esami di stato**

- Membro di numerose commissioni per assegni o borse di ricerca
- Membro di commissione per l'ammissione al dottorato in informatica dell'Università di Pisa, 2022.
- Membro di commissione di concorso per un posto da RTD-A presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa, ottobre-novembre 2022.
- Segretario (e unico membro interno) di commissione di concorso per due posti da RTD-B presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa, maggio 2021-settembre 2021.
- Membro di commissione per il rinnovo di un posto da RTD-A presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Verona, giugno 2021.
- Presidente di commissione di concorso per un posto da RTD-B presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa, novembre 2018-gennaio 2019.
- Membro di commissione di concorso per un posto da RTD-A presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Verona, luglio-settembre 2018.

- Membro della commissione d'esame finale per il Dottorato in Informatica, Università di Milano-Bicocca, marzo e novembre 2017
- Membro della commissione d'esame finale per il Dottorato in Informatica, Università di Pisa, dicembre 2015
- Membro della commissione per l'ammissione al Corso di Laurea in Scienze del Turismo nel 2013, 2014 e 2016
- Membro della commissione per l'esame di stato del Tirocinio Formativo Attivo (TFA) nel 2013 e 2015
- Membro di commissione d'esame finale per il dottorato in Informatica, Università di Torino, marzo 2013

## **ATTIVITÀ DIDATTICA**

### **Attività didattica A.A. 2023/2024**

- Titolare del corso "Paradigmi di Programmazione" (9 CFU). Corso di Laurea Triennale in Informatica, Università di Pisa.
- Titolare del corso "Orientamento Professionale e Competenze Trasversali in ambito ICT" (3 CFU). Corso di Laurea Triennale in Informatica, Università di Pisa.
- Titolare del corso "Computational Models for Complex Systems" (6 CFU). Corso di Laurea Magistrale in Informatica, Università di Pisa.
- Titolare del corso "Metodologie Informatiche Applicate al Turismo" (6 CFU). Corso di Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa.

### **Attività didattica precedente**

- Titolare del corso "Paradigmi di Programmazione" (9 CFU). Corso di Laurea Triennale in Informatica, Università di Pisa, Anni Accademici 2021/2022, 2022/2023.
- Titolare del corso "Orientamento Professionale e Competenze Trasversali in ambito ICT" (3 CFU). Corso di Laurea Triennale in Informatica, Università di Pisa, Anni Accademici 2021/2022, 2022/2023.
- Titolare del corso "Computational Models for Complex Systems" (6 CFU). Corso di Laurea Magistrale in Informatica, Università di Pisa. Anni Accademici 2019/2020, 2020/2021, 2021/2022, 2022/2023.
- Titolare del corso "Metodologie Informatiche Applicate al Turismo" (6 CFU). Corso di Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa. Anni Accademici 2011/2012, 2012/2013, 2013/2014, 2014/2015, 2015/2016, 2016/2017, 2017/2018, 2018/2019, 2019/2020, 2020/2021, 2021/2022, 2022/2023.
- Titolare del corso "Informatica Medica" (3 CFU). Corso di Laurea a ciclo unico in Medicina e Chirurgia, Università di Pisa. Anni Accademici 2018/2019, 2019/2020, 2020/2021.
- Titolare del modulo "Laboratorio di Programmazione Java" (6 CFU) del corso "Programmazione e Analisi di Dati". Corso di Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Università di Pisa. Anni Accademici 2013/2014, 2014/2015, 2015/2016 (per 9 CFU), 2016/2017 (per 9 CFU), 2017/2018, 2018/2019, 2019/2020, 2020/2021.
- Titolare del corso "Programmazione I e Laboratorio" (9 CFU). Corso di Laurea Triennale in Informatica, Università di Pisa. Anno Accademico 2016/2017 (per 4.5 CFU), 2017/2018.
- Co-titolare del corso "Architettura dell'Informazione" (per 28 ore). Master di I livello in Turismo e ICT, Università di Pisa. Anni Accademici 2015/2016, 2016/2017.

- Tutor (corso integrativo di 20 ore) per il corso di “Modelli di Calcolo - Models of Computation”, Corso di Laurea Magistrale in Informatica, Università di Pisa. Anno Accademico 2015/2016.
- Titolare del laboratorio pedagogico “Laboratorio 2: Basi di Dati e Reti” (3 CFU) all’interno del Tirocinio Formativo Attivo (TFA) e dei Percorsi Abilitanti Speciali (PAS) classe 42 - Informatica. Anni Accademici 2012/2013, 2013/2014, 2015/2015.
- Co-docente del corso di “Programmazione I” per la parte di esercitazioni e laboratorio (20 ore). Corso di Laurea in Informatica, Università di Pisa. Anno Accademico 2012/2013.
- Titolare del corso “Web Programming” (6 CFU). Corso di Laurea in Informatica Applicata, Università di Pisa. Anno Accademico 2010/2011.
- Titolare del corso “Fondamenti di Algoritmi” (modulo di 6 CFU dell’insegnamento “Programmazione e Algoritmi”). Corso di Laurea in Informatica per l’Economia e per l’Azienda (Business Informatics), Università di Pisa. Anno Accademico 2010/2011.
- Titolare del corso “Laboratorio di Basi di Dati” (modulo di 6 CFU dell’insegnamento “Sistemi Informatici Operazionali”). Corso di Laurea in Informatica per l’Economia e per l’Azienda (Business Informatics), Università di Pisa. Anno Accademico 2010/2011.
- Titolare del modulo di laboratorio (20 ore) all’interno del corso “Linguaggi di Programmazione”. Corso di Laurea in Matematica, Università di Pisa. Anni Accademici 2008/2009, 2009/2010.
- Ha tenuto lezioni su modelli matematici e simulazione stocastica di sistemi biologici (7 ore) all’interno del corso di “Bioinformatica”. Corso di Laurea Specialistica in Informatica, Università di Pisa. Anno Accademico 2009/2010.
- Assistente per il corso di “Fondamenti di Programmazione”. Corso di Laurea in Informatica, Università di Pisa. Anno Accademico 2006/2007.
- Ha tenuto lezioni su strumenti di model checking e su modellazione e analisi di sistemi biologici all’interno del corso di “Metodi e Strumenti per la Verifica”. Corso di Laurea in Informatica, Università di Pisa. Anni Accademici 2006/2007, 2007/2008, 2008/2009 e 2009/2010.

## **Didattica a livello di dottorato**

Partecipazione a Collegi di Dottorato:

- Membro del Collegio di Dottorato in Informatica dell’Università di Pisa (da febbraio 2023)

Supervisore di dottorandi in Informatica (salvo diversamente specificato):

- José Luis Conradi Hoffman. Argomento di Ricerca: Specifica e verifica di proprietà di safety in sistemi critici data-driven (double-degree Università di Pisa e Federal University of Santa Catarina, co-supervisore), in corso.
- Alessandro Dipalma. Argomento di ricerca: predizione di proprietà dinamiche di PPI networks con metodi di ML su grafi, in corso.
- Sara Joubbi. Argomento di ricerca: Metodi computazionali per lo studio di interazioni antigene-anticorpo, in corso.
- Giang Pham. Argomento di ricerca: Studio di proprietà di reti biologiche, in corso.
- Martina Cirinciani. Argomento di ricerca: Metodi di biologia strutturale computazionale per lo studio di proprietà di proteine mutate. Dottorato in Biochemistry and Molecular Biology, in corso.
- Lucia Nasti. Argomento di ricerca: Metodi di analisi computazionale della robustezza delle reti di interazione biochimica. Tesi discussa a Marzo 2020.
- Giovanna Broccia. Argomento di ricerca: Modelli computazionali del comportamento umano nell’interazione con più di un device (human multitasking). Tesi discussa a Marzo 2019.

- Pasquale Bove. Argomento di ricerca: Modellazione e simulazione di ecosistemi. Tesi discussa a Ottobre 2016.
- Sheema Sameen. Argomento di ricerca: Modelli ibridi dei fenomeni di resistenza al trattamento farmacologico del cancro. Tesi discussa a Maggio 2016.
- Giulio Caravagna. Argomento di ricerca: Ritardi nella simulazione stocastica di sistemi biologici e in formalismi stocastici e temporizzati. Tesi discussa a Giugno 2011.
- Giovanni Pardini. Argomento di ricerca: Formalizzazione con calcoli di processo di notazioni grafiche per sistemi biologici e modellazione degli aspetti spaziali di tali sistemi. Tesi discussa a Giugno 2011.
- Peter Drabik. Argomento di ricerca: Verifica modulare e sintesi di modelli di sistemi biologici. Tesi discussa a Dicembre 2011.
- Membro di numerose commissioni interne di studenti del Dottorato in Informatica.

Corsi e scuole per il dottorato di ricerca:

- Titolare del corso “Computational Modeling for Systems Biology”, PhD in Computer Science, Università di Pisa, marzo 2023.
- Organizzatore della scuola di dottorato internazionale “SEFM School 2010 – Advanced applications of model checking techniques” tenutasi dal 6 al 10 settembre 2010 a Pisa.
- Organizzatore di un ciclo di seminari su “Bio-inspired models of computation” rivolto a studenti di dottorato in Informatica dell’Università di Pisa, Anno 2009.
- Mini-corso (4 ore) sul Calculus of Looping Sequences alla scuola di dottorato BNC’08 (Bertinoro School on Natural Computation 2008).

Attività di revisore o supervisione per dottorandi di altri atenei:

- Revisore esterno della tesi di dottorato di Desiree Manicardi, Dottorato in Informatica, Università dell’Insubria, 2024.
- Membro della commissione interna di Filippo Costanti, Dottorato in Smart Computing, Università di Siena, 2021-2024.
- Revisore esterno della tesi di dottorato di Livio Bioglio, Dottorato in Informatica, Università di Torino, 2013
- Revisore esterno della tesi di dottorato di Michal Kováč, Dottorato in Informatica, Comenius University, Bratislava, 2013.

## Supervisione di tesi di laurea

Relatore dei seguenti tesisti (Lauree Magistrali e Specialistiche):

- Leonardo Da Pozzo. Argomento di tesi: studio di mutazioni di proteine con metodi di modellazione strutturale e strumenti di realtà virtuale. Laurea Magistrale in Informatica, in corso.
- Niccolò De Paolis. Argomento di tesi: propagazione di effetti di proteine mutate in reti biologiche. Laurea Magistrale in Informatica, in corso.
- Alessandro Dipalma. Titolo della tesi: *Predicting Dynamical Properties of Pathways from Protein Interaction Networks using Graph Neural Networks*. Laurea Magistrale in Informatica. Anno Accademico 2022/2023.
- Pietro Francaviglia. Titolo della: *Who cares? An optimization-simulation approach to the Home Care Problem*. Laurea Magistrale in Informatica. Anno Accademico 2022/2023.

- Giang Pham. Titolo della tesi: *A computational workflow for estimation of protein-ligand affinity with mutant proteins*. Laurea Magistrale in Informatica, Anno Accademico 2021/2022.
- Ilaria Belvedere. Titolo della tesi: *Progettazione e prototipazione di una soluzione basata su DataVerse per la condivisione di dataset e prodotto di ricerca*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2021/2022.
- Ilaria Petrossi. Titolo della tesi: *Definizione, analisi formale e implementazione del flusso di gioco della game app "Mistero al Museo" per il Museo di Storia Naturale di Calci.* Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2021/2022.
- Marta Scalisi. Titolo della tesi: *Realizzazione di un sito web per la raccolta e l'esplorazione di dati epigenomici sulla sindrome di Rett*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2021/2022.
- Roberto Sulas. Titolo della tesi: *C code generation from Discrete-Event actor-oriented models for generic embedded applications*. Laurea Magistrale in Informatica, Anno Accademico 2020/2021.
- Michele Fontanesi. Titolo della tesi: *Biochemical pathways dynamical properties prediction and analysis with Neural Networks for Graphs*. Laurea Magistrale in Informatica, Anno Accademico 2020/2021.
- Giuseppe Cassarà. Titolo della tesi: *Studio e prototipizzazione di una soluzione di data visualization basata su GraphQL*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2019/2020.
- Laura Turriani. Titolo della tesi: *Arpus: progettazione e sviluppo di una piattaforma per le analisi bibliometriche dell'Università di Pisa*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2018/2019.
- Marco Loddo. Titolo della tesi: *Realizzazione di un'applicazione distribuita a microservizi basata su container Docker e PaaS di orchestrazione per la ristorazione aziendale*. Laurea Magistrale in Informatica, Anno Accademico 2018/2019.
- Luca Vitriani. Titolo della tesi: *Progettazione e sviluppo di una piattaforma web per la realizzazione di test cognitivi*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2017/2018.
- Stefano Costanzo. Titolo della tesi: *Progettazione di un sistema di simulazione per reti sociali*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2017/2018.
- Guglielmo Lischi. Titolo della tesi: *Sviluppo di una applicazione ibrida per l'insegnamento del modello particellare nelle scuole secondarie di primo grado*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2016/2017.
- Lucia Nasti. Titolo della tesi: *Modelling and Simulation of the Dopaminergic System in addiction context. The case of Internet addiction*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2016/2017.
- Dimitri Belli. Titolo della tesi: *Progetti educativi, informatica e didattica della chimica. Come incoraggiare lo sviluppo della capacità di astrazione negli alunni delle scuole secondarie di primo grado con l'ausilio di applicazioni interattive*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica, Anno Accademico 2015/2016.
- Alessandro Bompadre. Titolo della tesi: *Multilevel Attributed Probabilistic P System Implementazione e Definizione*. Laurea Magistrale in Informatica, Anno Accademico 2015/2016.
- Giovanna Broccia. Titolo della tesi: *Un domain specific language per la modellazione di giochi*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica. Anno Accademico 2014/2015.
- Dario Sestini. Titolo della tesi: *Verifica di proprietà di modelli di giochi con tecniche di model checking probabilistico*. Laurea Magistrale in Informatica Umanistica. Anno Accademico 2014/2015.
- Teresa Fasano. Titolo della tesi: *Formalizzazione di alcune estensioni probabilistiche di P Systems*. Laurea Specialistica in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2008/2009.
- Giovanni Cambria. Titolo della tesi: *Stochastic Calculus of Looping Sequences con ritardi*. Laurea Specialistica in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2008/2009.

- Daniela Lepri. Titolo della tesi: *A formal semantics for molecular interaction maps*. Laurea Specialistica in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2007/2008.
- Giulio Caravagna. Titolo della tesi: *An intermediate language for the simulation of biological systems*. Laurea Specialistica in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2006/2007.
- Giovanni Pardini. Titolo della tesi: *Topological Calculus of Looping Sequences*. Laurea Specialistica in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2006/2007.
- Guido Scatena. Titolo della tesi: *Development of a stochastic simulator for biological systems based on the Calculus of Looping Sequences*. Laurea Specialistica in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2006/2007.

Supervisore dei seguenti tesisti (Lauree Triennali):

- Riccardo Berni. Titolo della tesi: *Progettazione e sviluppo di un metodo computazionale per l'analisi di catene laterali di proteine*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, A.A. 2022/2023.
- Do Thi Hien. Argomento della tesi: *Web3 in Tourism: Redefining the way people plan, book, and experience travel*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, A.A. 2022/2023.
- Elisa Cinini. Argomento della tesi: *Implicazioni del web 3.0 sulle attività legate al turismo*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, A.A. 2022/2023.
- Ludovico Venturi. Titolo della tesi: *Protein Folding: dai metodi classici per la predizione della struttura di proteine alla rivoluzione di AlphaFold*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, A.A. 2021/2022
- Carlo Zazzetti. Argomento della tesi: *Sviluppo di giochi interattivi per l'ambito museale*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, A.A. 2020/2021.
- Andrea Zanobini. Argomento della tesi: *RAMSETE: Progetto di innovazione tecnologia in ambito museale*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, A.A. 2020/2021.
- Jeanne Milena Ndjebes. Titolo della tesi: *Realtà virtuale e l'Internet of things un binomio essenziale per la digitalizzazione del patrimonio culturale: Caso del Zamani project*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, Anno Accademico 2020/2021.
- Gabriele Guariso. Titolo della relazione: *Sviluppo di un App Android per l'ambito museale*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2020/2021.
- Mariagiovanna Rotundo. Titolo della relazione: *SBML-batch: un package Python per la simulazione in batteria di reti di reazioni chimiche*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2019/2020.
- Domenico Profumo. Titolo della relazione: *Sviluppo app Android per il controllo di un sistema IoT per le coltivazioni in vaso*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2019/2020.
- Federico Pasquali. Titolo della tesi: *City Tour Planner*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, Anno Accademico 2018/2019.
- Priscilla Raucci. Titolo della relazione: *Sviluppo firmware per Wearable bluetooth e App per il settore bio-medicale*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, A.A. 2018/2019.
- Valeryia Zveryeva. Titolo della tesi: *Il web marketing nello sviluppo di un sito web di una struttura ricettiva*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, Anno Accademico 2016/2017.
- Alessia Ciuffreda. Titolo della tesi: *Ruolo dei travel blogger nella valorizzazione delle destinazioni turistiche*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, Anno Accademico 2016/2017.
- Filippo Baudo. Titolo della tesi: *Sviluppo e analisi dell'impatto del sito di una struttura ricettiva*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, Anno Accademico 2015/2016.
- Karyna Mazur. Titolo della tesi: *Il fenomeno della Sharing Economy come leva per lo sviluppo del turismo in Bielorussia*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, Anno Accademico 2015/2016.

- Elisa Amato. Titolo della relazione: *Web application per l'identificazione di componenti di pathway biochimici*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2014/2015.
- Veronika Denezhnaya. Titolo della relazione: *Visita virtuale del Museo di Storia Naturale dell'Università di Pisa: sito web e altri strumenti di comunicazione*. Laurea in Scienze del Turismo, Università di Pisa, Anno Accademico 2014/2015.
- Luca Biscardi. Titolo della relazione: *Implementazione con di un algoritmo per l'identificazione di componenti di pathway biochimici con GWT*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2013/2014.
- Giulio Manzi. Titolo della relazione: *Realizzazione di un simulatore di reazioni chimiche basato sull'algoritmo di Gillespie*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2007/2008.
- Iacopo Tozzi. Titolo della relazione: *Realizzazione e sperimentazione di un simulatore di sistemi molecolari*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2004/2005.
- Giulio Caravagna. Titolo della relazione: *Progettazione e realizzazione di un simulatore di sistemi biologici*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2004/2005.
- Simone Pieraccioni. Titolo della relazione: *Realizzazione di un'interfaccia grafica per simulatori di sistemi biologici*. Laurea in Informatica, Università di Pisa, Anno Accademico 2004/2005.

### Progetti per attività didattiche

- FIT for IU - Fondamenti di Tecnologie dell'Informazione per Informatica Umanistica, Progetto Speciale per la Didattica, finanziato dall'Università di Pisa

## ATTIVITÀ DI RICERCA

Interessi di ricerca:

- Computational Systems Biology
- Mechanistic Modeling of Complex Systems
- Precision Medicine
- Precision Agriculture
- Theoretical Computer Science: Semantics and Formal Methods
- Bio-inspired and Natural Models of Computation

Partecipazioni in società scientifiche:

- Membro dal 2021 dell'International Society on Computational Biology (ISCB)

Premi e riconoscimenti:

- Vincitore del premio *IMCS 2017 Prize "The Theoretical Result of the Year"* attribuito all'articolo [83] dall'International Membrane Computing Society.
- Autore di articolo inserito nella collezione speciale *Top papers selected by the Editorial Board* della rivista *Journal of Logical and Algebraic Methods in Programming* per il periodo 2014-2019.
- Vincitore del *Best Paper Award* della conferenza BIOSTEC/Bioinformatics 2020

Responsabilità di progetti:

- Coordinatore locale (per l'Università di Pisa - 6 dipartimenti) del progetto *Hub Multidisciplinare e Interregionale di Ricerca e Sperimentazione Clinica per il Contrasto alle Pandemie e all'Antibioticoresistenza (PAN-HUB)* finanziato dal Ministero della Salute, bando POS 2021 (Traiettorie 4). (budget per Univ. di Pisa pari a 937k euro )
- Referente istituzionale (coordinamento dei PI di Unipi, interfaccia verso il responsabile di spoke, contrattazione e gestione budget complessivo) dello spoke 6 dell'Ecosistema per l'Innovazione "Tuscany Health Ecosystem (THE)" finanziato nell'ambito delle iniziative PNRR (budget per Univ di Pisa pari a 2,1M euro).
- Responsabile del progetto *Metodi avanzati per l'analisi di dati biomedici* finanziato dall'Università di Pisa (PRA 2017/2018, cod. PRA\_2017\_44, budget pari a 67,5k euro).

#### Partecipazioni a progetti:

- Membro del progetto *Modelling and vErification of alkaptonuria and multiple sclerosis Driven by biomedical data (MEDICA)* finanziato nell'ambito del programma MIUR-PRIN 2022.
- Membro del progetto *Development and Optimization of Halophyte-based Farming systems in salt-affected Mediterranean Soils (HaloFarMs)* finanziato nell'ambito del programma internazionale PRIMA per la ricerca nell'area del Mediterraneo, 2020-2023.
- Membro del progetto *Riduzione dell'impatto ambientale della coltivazione fuori suolo di specie flo-ricole da fiore reciso nella Riviera di Ponente (FuoriSuoloSmart)* finanziato dalla Regione Liguria, 2021-2022.
- Membro del progetto *Metodi informatici integrati per la biomedica* finanziato dall'Università di Pisa (PRA\_2020-2021\_26).
- Membro del progetto *Precision Medicine for Preventing Type 2 Diabetes: a Step Forward (PRE-MED2)* finanziato dalla Regione Toscana nell'ambito del Bando Ricerca Salute 2018.
- Membro del progetto *Rfid in Ambito MuSeale per un'Esperienza inTERattiva (RAMSETE)* finanziato dalla Regione Toscana come cofinanziamento di assegno di ricerca per il 2020-2022.
- Membro del progetto *High-Tech House Garden (HTHG)* ammesso al finanziamento dalla Regione Toscana nell'ambito del programma POR FESR 2014-2020.
- Membro del progetto *Metodologie computazionali per la medicina personalizzata* finanziato dall'Università di Pisa (PRA 2015)
- Membro del progetto *Bio-Inspired Systems and Calculi with Applications (BISCA)* finanziato da MIUR (PRIN 2006).
- Membro del progetto *Automata: from Mathematics to Applications (AutoMathA)* dell'European Science Foundation (ESF 2005-2010).
- Membro del progetto *Abstract Interpretation Design and Applications (AIDA)* finanziato da MIUR (PRIN 2004).

#### Finanziamenti da aziende per ricerca:

- Procurato cofinanziamento di 39k euro per borsa di dottorato in informatica da Fondazione Toscana Life Science sul tema "Caratterizzazione dell'interazione proteina-proteina attraverso approcci di deep learning e dinamica molecolare" (DM 352/2022, ciclo di dottorato 2022-2025). Borsa ottenuta da Sara Joubbi.
- Procurato finanziamento per borsa di dottorato industriale in "biochemistry and molecular biology" (dottorato regionale Pegaso) su bando PON 2021 con l'azienda Kedrion Pharma. Borsa ottenuta da Martina Cirinciani.

- Contribuito a procurare (con le Prof.sse Claudia Martini ed Eleonora Da Pozzo) cofinanziamento di 54k euro per posizione RTDa SSD BIO/10 da Kedrion Pharma. Posizione ottenuta da Nicole Ziliotto, Dipartimento di Farmacia

Partecipazioni a comitati editoriali di riviste:

- Guest Editor di special issue della rivista “Journal of Logical and Algebraic Methods in Programming (JLAMP)” di Elsevier su “Computational modelling and data-driven techniques for systems analysis”, disponibile qui: <https://www.sciencedirect.com/journal/journal-of-logical-and-algebraic-methods-in-programming/special-issue/10PVWWRG3RH>.
- Guest Editor di special issue della rivista “Atti della Società Toscana di Scienze Naturali - Memorie B”, volume 125, 2018.
- Membro (dal 2012 al 2018) dell’Editorial Board (Review Editor) della rivista “Frontiers in Applied Mathematics and Statistics”, Frontiers publishing, Lausanne, Switzerland.

Partecipazioni a comitati direttivi di convegni internazionali:

- Organizer del convegno internazionale “22nd International Conference on Computational Methods in Systems Biology (CMSB 2024)”, Pisa 16-18 Settembre 2024.
- General Co-chair del convegno internazionale “8th EAI International Conference on Intelligent Transport Systems (INTSYS 2024)”, Pisa, 5-6 Dicembre 2024.
- Membro dello Steering Committee del convegno internazionale “From Data to Models and Back (DataMod)” che si tiene annualmente.
- Chair degli eventi satellite (workshop chair) della federazione di convegni internazionali “Software Technologies: Applications and Foundations (STAF 2016)”, Vienna (Austria), 4-8 luglio 2016.

Direzione di comitati scientifici (programme committee - PC) di convegni internazionali:

- PC chair del convegno internazionale “12th International Symposium From Data to Models and Back (DataMod 2024)”, Aveiro (Portogallo), 4-5 Novembre 2024.
- PC chair del workshop internazionale “Modelling and Knowledge Management: Systems and Domains (MoKMaSD 2015)”, York (Regno Unito), 8 Settembre 2015.
- PC chair del workshop internazionale “Modelling and Knowledge Management: Systems and Domains (MoKMaSD 2014)”, Grenoble (Francia), 2 Settembre 2014.
- PC chair del workshop internazionale “Modelling and Knowledge Management for Sustainable Development (MoKMaSD 2013)”, Madrid (Spagna), 24 Settembre 2013.
- PC chair e organizzatore del workshop internazionale “Applications of Membrane computing, Concurrency and Agent-based modelling in POPulation biology (AMCA-POP)”, Jena (Germania), 25 Agosto 2010.

Partecipazioni a comitati scientifici (programme committee - PC) di convegni internazionali:

- PC member della conferenza internazionale “15th Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2024)”, Roma, 21-23 Febbraio 2024.
- PC member della conferenza internazionale “48th International Symposium on Mathematical Foundations of Computer Science (MFCS 2023)”, Bordeaux, France, Agosto 2023.
- PC member del convegno internazionale “11th International Symposium From Data to Models and Back (DataMod 2023)”, Eindhoven (Olanda), 6-7 Novembre 2023.

- PC member del workshop internazionale “Cognition: Interdisciplinary Foundations, Models and Applications (CIFMA 2023)”, Eindhoven (Olanda), 7 Novembre 2023.
- PC member della conferenza internazionale “14th Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2023)”, Lisbona (Portogallo), 22-24 Febbraio 2023.
- PC member del workshop internazionale “Cognition: Interdisciplinary Foundations, Models and Applications (CIFMA 2022)”, Berlino (Germania), 27 Settembre 2022.
- PC member della conferenza internazionale “13th Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2022)”, Virtual Event, 9-11 Febbraio 2022.
- PC member del convegno internazionale “From Data to Models and Back (DataMod 2021)”, Virtual Event, 7 Dicembre 2021.
- PC member del workshop internazionale “Cognition: Interdisciplinary Foundations, Models and Applications (CIFMA 2021)”, Virtual Event, 6 Dicembre 2021.
- PC member della conferenza internazionale “12th Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2021)”, Virtual Event, 11-13 Febbraio 2021.
- PC member del convegno internazionale “From Data to Models and Back (DataMod 2020)”, Virtual Event, 20 Ottobre 2020.
- PC member del workshop internazionale “Cognition: Interdisciplinary Foundations, Models and Applications (CIFMA 2020)”, Virtual Event, 14 Settembre 2020.
- PC member della conferenza internazionale “11th Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2020)”, Valletta (Malta), 24-26 Febbraio 2020.
- PC member del convegno internazionale “From Data to Models and Back (DataMod 2019)”, Porto (Portogallo), 7-8 Ottobre 2019.
- PC member del workshop internazionale “Cognition: Interdisciplinary Foundations, Models and Applications (CIFMA 2019)”, Oslo (Norvegia), 17 Settembre 2019
- PC member del workshop internazionale “Open Source Software Certification (OpenCert 2019)”, Porto (Portogallo), 7 Ottobre 2019.
- PC member dell’“Italian Conference on Theoretical Computer Science (ICTCS)”, Como (Italia), 9-11 Settembre 2019
- PC member della conferenza internazionale “10th Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2019)”, Praga (Repubblica Ceca), 22-24 Febbraio 2019.
- PC member della conferenza internazionale “9th Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2018)”, Madeira (Portogallo), 19-21 Gennaio 2018.
- PC member della conferenza internazionale “8th Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2017)”, Porto (Portogallo), 21-23 Febbraio 2017.
- PC member del convegno internazionale “From Data to Models and Back (DataMod 2016)”, Vienna (Austria), 8 luglio 2016.
- PC member del workshop internazionale “Verification of Engineered Molecular Devices and Programs (VEMDP 2014)”, Vienna (Austria), 17 Luglio 2014.
- PC member del workshop internazionale “Open Source Software Certification (OpenCert 2014)”, Grenoble (Francia), 1 Settembre 2014.
- PC member del workshop internazionale “Interactions between Computer Science and Biology (CS2Bio’13)”, Firenze, 6 Giugno 2013
- PC member del workshop internazionale “Open Source Software Certification (OpenCert 2013)”, Madrid (Spagna), 23 Settembre 2013.
- PC member del workshop internazionale “Modelling and Knowledge Management for Sustainable Development (MoKMaSD 2012)”, Salonicco (Grecia), 2 Ottobre 2012.
- PC member del workshop internazionale “Interactions between Computer Science and Biology (CS2Bio’12)”, Stoccolma (Svezia), 16 Giugno 2012.

- PC member del workshop internazionale “Membrane Computing and Biologically Inspired Process Calculi (MeCBIC 2012)”, Newcastle (UK), 8 Settembre 2012.
- PC member del workshop internazionale “Interactions between Computer Science and Biology (CS2Bio’11)”, Reykjavik (Islanda), 9 Giugno 2011.
- PC member del workshop internazionale “Modelling for Sustainable Development”, special track di SEFM 2011, Montevideo (Uruguay), 14-18 Novembre 2011.
- PC member del workshop internazionale “Membrane Computing and Biologically Inspired Process Calculi (MeCBIC 2011)”, Parigi (Francia), 23 Agosto 2011.
- PC member del workshop internazionale “Open Source Software Certification (OpenCert 2011)”, Montevideo (Uruguay), 14-15 Novembre 2011.
- PC member del workshop internazionale “Interactions between Computer Science and Biology (CS2Bio’10)”, Amsterdam (Olanda), 10 Giugno 2010.
- PC member del workshop internazionale “Membrane Computing and Biologically Inspired Process Calculi (MeCBIC 2010)”, Jena (Germania), 23 Agosto 2010.
- PC member del workshop internazionale “Open Source Software Certification (OpenCert 2010)”, Pisa (Italia), 17-18 Settembre 2010.

Partecipazioni a comitati di programma di convegni nazionali:

- PC member della conferenza “Tecnologie e innovazione per una gestione sostenibile dell’agricoltura, dell’ambiente e della biodiversità (Ti4AAB)”, Calci (PI), 7-8 Luglio 2016.

Partecipazioni a convegni e scuole internazionali su invito:

- Keynote Speaker al “17th International Conference on Membrane Computing (CMC17)”, Milano, 25-29 luglio 2016
- Seminario su invito al convegno “Natural Born Computations” organizzato dall’Università di Urbino (Urbino, 26-27 febbraio 2015)
- Seminario su invito alla XV Scuola Estiva di Filosofia della Fisica (Cesena, Settembre 2012)
- Seminario su invito alla scuola di dottorato BNC’08 (Bertinoro School on Natural Computation 2008).

Altre partecipazioni a convegni ed eventi di disseminazione su invito (solo A.A. 2021-2022):

- Moderatore della sessione “Organizzazione sanitaria, epidemiologia, sorveglianza” del Convegno ProSIT 2022 intitolato “Le sfide delle tecnologie digitali per la salute del futuro”, Pisa, 8 Luglio 2022.
- Relazione su invito (keynote) al convegno “Il ruolo delle immagini e degli strumenti digitali nella didattica delle scienze”, Pisa, 4-5 Luglio 2022.
- Relazione su invito al convegno internazionale “Regions4PerMed KA5 Conference - Tackling ethical, economical, legal and social aspects of Personalised Medicine”, Siena, 27-28 Giugno 2022
- Relazione su invito al convegno annuale del Centro 3R intitolato “L’era delle 3R: modelli in silico, in vitro e in vivo per promuovere la ricerca traslazionale”, evento online, 30 Settembre e 1 Ottobre 2021
- Relazione su invito al convegno “3 anni, 3R”, evento online, 2 Febbraio 2021.

Attività di revisione di articoli:

- Riviste internazionali (lista non completa): *Fundamenta Informaticae*; *Theoretical Computer Science*; *Journal of Biological Systems*; *Mathematical Structures in Computer Science*; *Int. Journal of Foundations of Computer Science*; *Natural Computing*; *Int. Journal of Computers, Communications & Control*; *Journal of Logic and Algebraic Programming*; *Theoretical Informatics and Applications*; *Journal of Universal Computer Science*; *Journal of Computational Biology*; *Science of Computer Programming*; *Information & Computation*; Springer Plus; *Information Sciences*, ...
- Convegni e workshop internazionali (lista non completa): ICALP'05, ICTAC'05, CMSB'06, FBTC'07, CMSB'07, FOCLASA'07, SOS'07, FASE'07, ICALP'07, SOFSEM'08, SAC'08, ESOP'08, QAPL'09, PetriNets'09, PSI'09, CMSB'09, CILC'09, Concur'09, SAC'09, CMSB'10, CS2BIO'10, MeCBIC'10, OpenCert'10, CMSB'11, CS2BIO'11, SEFM'11, TGC'11, RECOMB'11 CS2Bio'12, MeCBIC'12, MoKMaSD'12, QAPL'12, MeCBIC'13, OpenCert'13, PSI'14, OpenCert'14, WABI'15, ECCS'15, CIBB'15, DataMod'16, WRLA'16, ICTCS'16, BioInformatics'17, ...

## BREVETTI

- Proposta di brevetto accettata dalla Commissione Brevetti dell'Università di Pisa. Co-inventore con 6 colleghi dell'Università di Pisa. Domanda di deposito in corso di realizzazione.

## INDICATORI BIBLIOMETRICI

Dati aggiornati al 5 giugno 2024:

	Scopus	ResearchGate	Google Scholar
h-index	18	21	24
citazioni totali	1015	1296	1725
documenti indicizzati	116	135	N.D.
anno prima pubblicazione	2005	2004	N.D.

## PUBBLICAZIONI

### Lavori su riviste internazionali

- [1] L. Brodo, R. Bruni, M. Falaschi, R. Gori, P. Milazzo, V. Montagna, P. Pulieri. *Causal Analysis of Positive Reaction Systems*, accepted for publication in *Int. J. on Software Tools for Technology Transfer*, Springer, 2024, in stampa.
- [2] R. Bruni, R. Gori, P. Milazzo, H. Siboulet. *Melding Boolean networks and reaction systems under synchronous, asynchronous and most permissive semantics*, accepted for publication in *Natural Computing*, 2024, in stampa.
- [3] M. Cirinciani, E. Da Pozzo, M.L. Trincavelli, P. Milazzo, C. Martini. *Drug Mechanism: a bioinformatic update*, *Biochemical Pharmacology*, Article number 116078, 2024.
- [4] D. Belli, G. Lischi, G. Pardini, P. Milazzo, V. Domenici. *A free interactive digital tool to introduce particle model of matter and thermal particle motion at middle school level*, *Journal of Chemical Education*, volume 101, issue 2, pages 647–652, 2024.
- [5] M. Fontanesi, A. Micheli, P. Milazzo, M. Podda. *Exploiting the structure of biochemical pathways to investigate dynamical properties with neural networks for graphs*, *Bioinformatics*, volume 39, issue 11, article num. btad678, 2023.
- [6] L. Brodo, R. Bruni, M. Falaschi, R. Gori, F. Levi, P. Milazzo. *Quantitative Extensions of Reaction Systems based on SOS Semantics*, *Neural Computing and Applications*, volume 35, issue 9, pages 6335-6359, 2023.
- [7] A. Kocian, G. Carmassi, F. Cela, S. Chessa, L. Incrocci, P. Milazzo. *IoT based dynamic Bayesian prediction of crop evapotranspiration in soilles cultivations*, *Computers and Electronics in Agriculture*, volume 205, article num. 107608, 2023
- [8] R. Barbuti, R. Gori, P. Milazzo. *Encoding Boolean networks into reaction systems for investigating causal dependencies in gene regulation*, *Theoretical Computer Science*, volume 881, pages 3-24, 2021.

- [9] R. Barbuti, A. Bernasconi, R. Gori, P. Milazzo. *Characterization and computation of ancestors in reaction systems*, Soft Computing, volume 25 (3), pages 1683-1698, 2021.
- [10] R. Barbuti, P. Bove, R. Gori, D. Gruska, F. Levi, P. Milazzo. *Encoding threshold Boolean Networks into reaction systems for the analysis of gene regulatory networks*, Fundamenta Informaticae, volume 179 (2), pages 205-225, 2021
- [11] R. Barbuti, R. Gori, P. Milazzo, L. Nasti. *A survey of gene regulatory networks modelling methods: from differential equations, to Boolean and qualitative bioinspired models*, Journal of Membrane Computing, volume 2 (3), pages 207-226, 2020
- [12] A. Kocian, G. Carmassi, F. Cela, L. Incrocci, P. Milazzo, S. Chessa. *Bayesian sigmoid-type time series forecasting with missing data for greenhouse crops*, Sensors, volume 20 (11), article num. 3246, 2020.
- [13] A. Kocian, D. Massa, S. Cannazzaro, L. Incrocci, S. Di Lonardo, P. Milazzo, S. Chessa. *Dynamic Bayesian network for crop growth prediction in greenhouses*, Computers and Electronics in Agriculture, volume 169, n. 105167, 2020.
- [14] G. Broccia, P. Milazzo, P.C. Olveczky. *Formal modeling and analysis of safety-critical human multitasking*, Innovations in Systems and Software Engineering, volume 15 (3), pages 533-571, 2019.
- [15] P. Milazzo and G. Pardini. *Objective/MC: A high-level model checking language: Formalization of the imperative core and translation into PRISM*, Journal of Intelligent Information Systems, volume 52, n. 3, pages 533-571, 2019.
- [16] R. Gori, D. Gruska, P. Milazzo. *Studying opacity of reaction systems through formula based predictors*, Fundamenta Informaticae, volume 165 (3-4), pages 303-319, 2019.
- [17] L. Nasti, P. Milazzo. *A Hybrid Automata model of social networking addiction*, Journal of Logical and Algebraic Methods in Programming, volume 100, pages 215-229, 2018.
- [18] R. Barbuti, R. Gori, P. Milazzo. *Predictors for flat membrane systems*, Theoretical Computer Science, volume 736, pages 79-102, 2018.
- [19] A. Ahluwalia, A.M. Bassi, P. Milazzo. *Inauguration of the Centro 3R for the promotion of the 3Rs principles in teaching and research*, ALTEX, volume 35 (2), pages 260-261, 2018.
- [20] R. Barbuti, P. Berni, P. Milazzo. *A mathematical model for the study of the impact of small commercial fishing on the biodiversity of artificial reefs*, Atti della Soc. T. di Scienze Naturali, Memorie Serie B, 125, pages 45-52, 2018
- [21] R. Barbuti, R. Gori, F. Levi and P. Milazzo. *Generalized contexts for reaction systems: definition and study of dynamic causalities*, Acta Informatica, volume 55, number 3, pages 227-267, 2018.
- [22] R. Barbuti, R. Gori, F. Levi and P. Milazzo. *Specialized Predictor for Reaction Systems with Context Properties*, Fundamenta Informaticae, volume 147, pages 173-191, 2016.
- [23] R. Barbuti, R. Gori, F. Levi and P. Milazzo. *Investigating Dynamic Causalities in Reaction Systems*, Theoretical Computer Science, volume 623, pages 114-145, 2016.
- [24] S. Sameen, R. Barbuti, P. Milazzo, A. Cerone, M. Del Re, R. Danesi. *Mathematical Modelling of Drug Resistance Due to KRAS Mutation in Colorectal Cancer*, Journal of Theoretical Biology, volume 389, pages 263-273, 2016.
- [25] R. Barbuti, P. Bove, P. Milazzo and G. Pardini. *Minimal probabilistic P systems for modelling ecological systems*, Theoretical Computer Science, volume 608, pages 36-56, 2015.
- [26] G. Pardini, P. Milazzo and A. Maggiolo-Schettini. *Component identification in biochemical pathways*, Theoretical Computer Science, volume 587, pages 104-124, 2015.
- [27] P. Bove, P. Milazzo and R. Barbuti. *The role of deleterious mutations in the stability of hybridogenetic water frog complexes*, BMC Evolutionary Biology, volume 14, reference 107, 2014.
- [28] G. Pardini, R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *Compositional semantics and behavioural equivalences for reaction systems with restriction*, Theoretical Computer Science, volume 551, pages 1-21, 2014.
- [29] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and G. Pardini. *Simulation of spatial P system models*, Theoretical Computer Science, volume 529, pages 11-45, 2014.
- [30] G. Pardini, P. Milazzo and A. Maggiolo-Schettini. *Identification of components in biochemical pathways: extensive application to SBML models*, Natural Computing, volume 13, pages 351-365, 2014.
- [31] P. Milazzo. *Membrane Computing: from biology to computation and back*, Isonomia, ISSN 2037-4348, April 2014.
- [32] P. Drábik, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, and G. Pardini. *Modular Verification of Qualitative Pathway Models with Fairness*, Scientific Annals of Computer Science, volume 23, pages 75-117, 2013.
- [33] R. Barbuti, S. Mautner, G. Carnevale, P. Milazzo, A. Rama and C. Sturmbauer. *Population dynamics with a mixed type of sexual and asexual reproduction in a fluctuating environment*, BMC Evolutionary Biology, volume 12, reference 49, 2012.
- [34] P. Drábik, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *On conditions for modular verification in systems of synchronising components*, Fundamenta Informaticae, volume 120, pages 259-274, 2012.
- [35] R. Barbuti, G. Caravagna, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *Foundational aspects of multiscale modelling of biological systems with process algebras*, Theoretical Computer Science, volume 431, pages 96-116, 2012.

- [36] R. Barbuti, F. Levi, P. Milazzo and G. Scatena. *Probabilistic model checking of biological systems with uncertain kinetic rates*, Theoretical Computer Science, volume 419, pages 2–16, 2012.
- [37] P. Drábik, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *Modular verification of interactive systems with an application to biology*, Scientific Annals of Computer Science, volume 21, pages 39–72, 2011.
- [38] R. Barbuti, F. Levi, P. Milazzo and G. Scatena. *Maximally parallel probabilistic semantics for Multiset Rewriting*, Fundamenta Informaticae, volume 112, pages 1-27, 2011.
- [39] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and G. Pardini. *Spatial Calculus of Looping Sequences*, Theoretical Computer Science, volume 412, pages 5976–6001, 2011.
- [40] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *An overview on operational semantics in membrane computing*, International Journal of Foundations of Computer Science, volume 22, pages 119–132, 2011.
- [41] R. Barbuti, G. Caravagna, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *Delay stochastic simulation of biological systems: A purely delayed approach*, Transactions on Computational Systems Biology XIII, Springer LNCS journal, volume 6575, pages 61–84, 2011.
- [42] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, G. Pardini and L. Tesei. *Spatial P systems*, Natural Computing, volume 10, pages 3–16, 2011.
- [43] R. Barbuti, M. Dezani-Ciancaglini, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and A. Troina. *A formalism for the description of protein interaction*, Fundamenta Informaticae, volume 103, pages 1-29, 2010.
- [44] R. Barbuti, D.P. Gruska, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *A Notion of biological diagnosability inspired by the notion of opacity in systems security*, Fundamenta Informaticae, volume 102, pages 19-34, 2010.
- [45] G. Caravagna, A. d’Onofrio, P. Milazzo and R. Barbuti. *Tumour suppression by immune system through stochastic oscillations*, Journal of Theoretical Biology, volume 265, pages 336–345, 2010.
- [46] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *Compositional semantics of spiking neural P systems*, Journal of Logic and Algebraic Programming, volume 79, pages 304–316, 2010.
- [47] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and L. Tesei. *Timed P automata*, Fundamenta Informaticae, volume 94, pages 1–19, 2009.
- [48] R. Barbuti, G. Caravagna, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *P systems with endosomes*, Int. Journal of Computers, Communications & Control, Volume IV, pages 214–223, 2009.
- [49] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *P systems with transport and diffusion membrane channels*. Fundamenta Informaticae, volume 93, pages 17–31, 2009.
- [50] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, A. Troina. *A methodology for the stochastic modelling and simulation of sympatric speciation by sexual selection*. Journal of Biological Systems, World Scientific Publishing, volume 17, pages 349–376, 2009.
- [51] R. Barbuti, G. Caravagna, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *An intermediate language for the stochastic simulation of biological systems*, Theoretical Computer Science, volume 410, pages 3085–3109, 2009.
- [52] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *A P systems flat form preserving step-by-step behaviour*, Fundamenta Informaticae, volume 87, 1–34, 2008.
- [53] R. Lanotte, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and A. Troina. *Design and verification of long-running transactions in a timed framework*, Science of Computer Programming, volume 73, pages 76–94, 2008.
- [54] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, P. Tiberi and A. Troina. *Stochastic CLS for the modeling and simulation of biological systems*, Transactions on Computational Systems Biology IX, Springer LNCS journal, volume 5121, pages 86–113, 2008.
- [55] D.P. Gruska, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo. *Security in a model for long-running transactions*, Fundamenta Informaticae, volume 85, pages 189–203, 2008.
- [56] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, and A. Troina, *Bisimulations in calculi modelling membranes*, Formal Aspects of Computing, volume 20, pages 351–377, 2008.
- [57] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *Compositional semantics and behavioral equivalences for P systems*, Theoretical Computer Science, volume 395, pages 77–100, 2008.
- [58] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and A. Troina. *A Calculus of Looping Sequences for modelling microbiological systems*, Fundamenta Informaticae, volume 72, pages 21–35, 2006.
- [59] R. Barbuti, S. Cataudella, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and A. Troina. *A probabilistic model for molecular systems*, Fundamenta Informaticae, volume 67, pages 13–27, 2005.

## Lavori su rendiconti di convegni internazionali

- [60] L. Brodo, R. Bruni, M. Falaschi, R. Gori, P. Milazzo. *Attractor and slicing analysis of a T cell differentiation model based on Reaction Systems*, Proc. of DataMod 2023, LNCS, Springer, 2024, in stampa.
- [61] S. Joubbi, G. Maccari, D. Cardamone, G. Ciano, A. Micheli, P. Milazzo, D. Medini. "Antibody target classification from sequence information", Proc. of CIBB 2023, LNCS, Springer, 2024, in stampa.
- [62] S. Torsi, S. Chessa, L. Incrocci, A. Kocian, P. Milazzo, F. Cela, G. Carmassi. *Farming and automation: how professional visions change with the introduction of technology in greenhouse cultivation*, Proc. of World CIST 2024, LNNS 985, pages 187–193, Springer, 2024.
- [63] A. Kocian, P. Milazzo, A. Castagna, A. Ranieri, J.A. Hernandez, P.D. Vivancos, G.B. Espin, K. Ben Hamed, A. Selmi, N. Kalboussi, S. Chessa. *Predictive model for the growth rate of tomatoes in saline substrate cultivation*, Proc. of IEEE MetroAgriFor 2023, pp. 699-703, IEEE, 2024.
- [64] R. Barbuti, E. Bonaccorsi, M. Bondioli, P. Milazzo, P. Nepa. *Grosso guaio al museo di Calci. A digital adventure to learn the secrets of the Museum of Natural History of the University of Pisa*, Proc. of EDUlearn 2023, Proc. of EDULEARN23, pages 5147-5154, 2023.
- [65] L. Nasti, R. Gori, P. Milazzo. *Analysis and verification of robustness properties in Becker-Döring model*, Proc. of 10th Int. Symposium "From Data to Models and Back (DataMod 2021)", LNCS 13628, pages 27-43, Springer, 2022.
- [66] L. Nasti, R. Gori, P. Milazzo. *Formal characterization and efficient verification of a biological robustness property*, 9th IEEE/ACM Conference on Formal Methods in Software Engineering (FormalISE 2021), IEEE, pages 13-18, 2021.
- [67] L. Brodo, R. Bruni, M. Falaschi, R. Gori, F. Levi, P. Milazzo. *Exploiting modularity of SOS semantics to define quantitative extensions of reaction systems*, Proc. of 9th-10th Int. Conference on the Theory and Practice of Natural Computing (TPNC 2020 & 2021), LNCS 13082, pages 15-32, Springer, 2021.
- [68] M. Podda, P. Bove, A. Micheli, P. Milazzo. *Classification of Biochemical Pathway Robustness with Neural Networks for Graphs*, Communications in Computer and Information Sciences, volume 1400, pages 215-239, Springer, 2021.
- [69] P. Milazzo. *Analysis of COVID-19 Data with PRISM: Parameter Estimation and SIR Modelling*, Proc. of 9th Int. Symposium "From Data to Models and Back (DataMod 2020)", LNCS 12611, pages 123-133, Springer, 2021.
- [70] M. Podda, D. Bacciu, A. Micheli, P. Milazzo. *Biochemical pathway robustness prediction with graph neural networks*, Proc. of 28th European Symposium on Artificial Neural Networks, Computational Intelligence and Machine Learning (ESANN 2020), pages 121-126, 2020
- [71] G. Broccia, P. Milazzo, C. Belviso, C.B. Montiel. *Validation of a simulation algorithm for safety-critical human multitasking*, Proc. of 8th Int. Symposium "From Data to Models and Back (DataMod 2019)", LNCS 12232, pages 99-113, Springer, 2020.
- [72] P. Bove, A. Micheli, P. Milazzo, A. Podda. *Prediction of dynamical properties of biochemical pathways with graph neural networks*, 12th Int. Conference BIOSTEC/Bioinformatics, pages 32-43, 2020.
- [73] R. Gori, P. Milazzo, L. Nasti. *Towards an efficient verification method for monotonicity properties of chemical reaction networks*, 10th Int. Conference BIOSTEC/Bioinformatics, pages 250-257, 2019.
- [74] G. Broccia, P. Masci, P. Milazzo. *Modeling and analysis of human memory load in multitasking scenarios*, ACM SIGCHI Symposium on Engineering Interactive Computing Systems (EICS 2018), art. a9, 2018.
- [75] G. Burchi, S. Chessa, F. Gambineri, A. Kocian, D. Massa, P. Milazzo, L. Rimediotti, A. Ruggeri. *Information technology controlled greenhouse: A system architecture*, IoT Vertical and Topical Summit on Agriculture - Tuscany, pages 1-6, IEEE, 2018.
- [76] L. Nasti, R. Gori, P. Milazzo. *Formalizing a notion of concentration robustness for biochemical networks*, LNCS 11176, pages 81-97, 2018.
- [77] R. Gori, D. Gruska, P. Milazzo. *Hidden states in reaction systems*, CEUR Workshop Proceedings, vol 2240, 2018.
- [78] R. Barbuti, A. Bernasconi, R. Gori, P. Milazzo. *Computing preimages and ancestors in reaction systems*, LNCS 11324, pages 23-35, Springer, 2018.
- [79] R. Barbuti, P. Bove, R. Gori, F. Levi, P. Milazzo. *Simulating gene regulatory networks using reaction systems*, CEUR Workshop Proceedings, vol 2240, 2018.
- [80] Giovanna Broccia, Paolo Milazzo and Peter Csaba Olveczky. *An executable formal framework for safety-critical human multitasking*, 10th NASA Formal Methods Symposium (NFM 2018)", LNCS 10811, pages 54-69, Springer, 2018.
- [81] Lucia Nasti and Paolo Milazzo. *A computational model of internet addiction phenomena in social networks*, 6th Int. Symposium "From Data to Models and Back (DataMod 2017)", LNCS 10729, pages 86-100, Springer, 2018.
- [82] Giovanna Broccia, Paolo Milazzo and Peter Csaba Olveczky. *An algorithm for simulating human selective attention*, 6th Int. Symposium "From Data to Models and Back (DataMod 2017)", LNCS 10729, pages 48-55, Springer, 2018.
- [83] Roberto Barbuti, Roberta Gori and Paolo Milazzo. *Multiset patterns and their application to dynamic causalities in membrane systems*, 18th International Conference on Membrane Computing (CMC 2017), LNCS 10725, pages 54-73, Springer, 2018.

- [84] Roberto Barbuti, Pasquale Bove, Paolo Milazzo and Giovanni Pardini. *Applications of P systems in population biology and ecology: The cases of MPP and APP systems*, 17th International Conference on Membrane Computing (CMC 2016), LNCS 10105, pages 28-48, Springer, 2017
- [85] Giovanni Pardini and Paolo Milazzo, *A High-Level Model Checking Language with Compile-time Pruning of Local Variables*, 5th Int. Symposium "From Data to Models and Back (DataMod 2016)", LNCS 9946, pages 67-82, Springer, 2016.
- [86] Roberto Barbuti, Alessandro Bompadre, Pasquale Bove, Paolo Milazzo and Giovanni Pardini, *Attributed Probabilistic P Systems and their Application to the Modelling of Social Interactions in Primates*, 4th Int. Workshop on Modelling and Knowledge Management: Systems and Domains (MoKMaSD'15), LNCS 9509, pages 176-191, Springer, 2015.
- [87] Suryana Setiawan, Antonio Cerone and Paolo Milazzo, *A Tool for the Modelling and Simulation of Ecological Systems based on Grid Systems*, 4th Int. Workshop on Modelling and Knowledge Management: Systems and Domains (MoKMaSD'15), LNCS 9509, pages 198-212, Springer, 2015.
- [88] R. Barbuti, R. Gori, F. Levi and P. Milazzo. *A Specialized Predictor for Reaction Systems with Context Properties*, Int. Workshop on Concurrency, Specification and Programming (CS&P'15), CEUR Workshop Proceedings, volume 1492, pages 31-43 ISBN 978-83-7996-181-8, University of Rzeszow, 2015.
- [89] P. Milazzo, G. Pardini, D. Sestini and P. Bove. *Case studies of application of probabilistic and statistical model checking in game design*, 4th International Workshop on Games and Software Engineering (GAS'15), pages 29-35, IEEE Press, 2015.
- [90] S. Sameen, R. Barbuti, P. Milazzo and A. Cerone, *A Mathematical Model for Assessing KRAS Mutation Effect on Monoclonal Antibody Treatment of Colorectal Cancer*, 3rd Int. Workshop on Modelling and Knowledge Management: Systems and Domains (MoKMaSD'14), LNCS 8938, pages 243-258, Springer, 2015.
- [91] R. Barbuti, P. Bove, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and G. Pardini. *A Computational Formal Model of the Invasiveness of Eastern Species in European Water Frog Populations*, 2nd Int. Workshop on Modelling and Knowledge Management for Sustainable Development (MoKMaSD'13), LNCS 8368, pages 329-344, Springer, 2014.
- [92] R. Barbuti, A. Cerone, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Setiawan. *Modelling population dynamics using grid systems*. 1st Int. Workshop on Modelling and Knowledge Management for Sustainable Development (MoKMaSD'12), LNCS 7991, pages 172-189, Springer, 2014.
- [93] G. Pardini, P. Milazzo and A. Maggiolo-Schettini. *An algorithm for the identification of components in biochemical pathways*, 4th Int. Workshop on Interactions between Computer Science and Biology (CS2Bio'13), ENTCS, volume 299, pages 69-84, Elsevier, 2013.
- [94] A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and G. Pardini. *Application of a Semi-automatic Algorithm for Identification of Molecular Components in SBML Models*, Italian Workshop on Artificial Life and Evolutionary Computation (Wivace 2013), EPTCS 130, pages 43-52, 2013.
- [95] G. Pardini, R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *A compositional semantics of reaction systems with restriction*, Computability in Europe (CIE'13), LNCS 7921, pages 330-339, Springer, 2013.
- [96] P. Drábik, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *Towards modular verification of pathways: fairness and assumptions*, 6th Int. Workshop on Membrane Computing and Biologically Inspired Process Calculi (MeCBIC'12), EPTCS 100, pages 63-81, 2012.
- [97] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *Membrane systems working in generating and accepting modes: expressiveness and encodings*, 11th Conference on Membrane Computing (CMC11), LNCS 6501, pages 102-117, Springer, 2011.
- [98] R. Barbuti, F. Levi, P. Milazzo and G. Scatena. *Maximally Parallel Probabilistic Semantics for Multiset Rewriting*, Int. Workshop on Concurrency, Specification and Programming (CS&P'10), Informatik-Bericht Nr. 237, pages 25-36, Humboldt-Universitaet, 2010.
- [99] P. Drábik, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *Dynamic Sync-program for Modular Verification of Biological Systems*, 2nd Int. Workshop on Non-classical Models of Automata and Applications (NCMA'10), Osterreichischen Computer Gesellschaft, book@ocg.at series, 2010.
- [100] T.A. Basuki, A. Cerone, R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and E. Rossi. *Modelling the dynamics of an Aedes albopictus population*, 1st Int. Workshop on Applications of Membrane computing, Concurrency and Agent-based modelling in POPulation biology (AMCA-POP 2010), EPTCS 33, pages 18-36, 2010.
- [101] R. Barbuti, G. Caravagna, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *Aspects of multiscale modelling in a process algebra for biological systems*, 4th Int. Workshop on Membrane Computing and Biologically Inspired Process Calculi (MeCBIC'10), EPTCS 40, pages 54-69, 2010.
- [102] P. Drábik, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *Modular verification of interactive systems with an application to biology*, 1st Int. Workshop on Interactions between Computer Science and Biology (CS2Bio'10), ENTCS 268, pages 61-75, Elsevier, 2010.
- [103] R. Barbuti, D. Lepri, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, G. Pardini and A. Rama. *Simulation of Kohn's Molecular Interaction Maps through traslation into Stochastic CLS+* 7th Int. Conference Perspectives of System Informatics (PSI'09), LNCS 5947, pages 58-69, Springer, 2010.

- [104] R. Barbuti, F. Levi, P. Milazzo and G. Scatena. *Probabilistic Model Checking of Biological Systems with Uncertain Kinetic Rates*, 3rd Int. Conference on Reachability Problems (RP'09), Springer LNCS 5797, pages 64–78, 2009.
- [105] R. Barbuti, G. Caravagna, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *On the Interpretation of Delays in Delay Stochastic Simulation of Biological Systems*, 2nd Int. Workshop on Computational Models for Cell Processes (CompMod'09), EPTCS 6, pages 17–29, 2009.
- [106] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo G.Pardini and A.Rama. *A Process Calculus for Molecular Interaction Maps*, Int. Meeting on Membrane Computing and Biologically Inspired Process Calculi (MeCBIC'09), EPTCS 11, pages 33-49, 2009.
- [107] R. Barbuti, D.P. Gruska, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *Interpretation of some systems security notions in biological diagnostics*, Int. Workshop on Concurrency, Specification and Programming (CS&P'09), pages 38–49, Warsaw Univeristy Press, 2009.
- [108] R. Barbuti, G. Caravagna, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *P Systems with endosomes*, 7th Brainstorming Week on Membrane Computing (BWMC'09), RGNC Report 1/2009, Fénix Editora, Sevilla, 2009.
- [109] T.A. Basuki, A. Cerone and P. Milazzo. *Translating Stochastic CLS into Maude*, Int. Meeting on Membrane Computing and Biologically Inspired Process Calculi (MeCBIC'08), ENTCS 227, pages 37–58, Elsevier, 2009.
- [110] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and L. Tesei. *Timed P automata*, Int. Meeting on Membrane Computing and Biologically Inspired Process Calculi (MeCBIC'08), ENTCS 227, pages 21–36, Elsevier, 2009.
- [111] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *P systems with transport and diffusion membrane channels*, Int. Workshop on Concurrency, Specification and Programming (CS&P'08), Informatik-Bericht 225, pages 13-24, Humboldt-Universitaet, 2008.
- [112] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and G. Pardini. *Spatial Calculus of Looping Sequences*, Int. Workshop From Biology To Concurrency and back (FBTC'08), ENTCS 229, Elsevier, pages 21–39, 2009.
- [113] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and S. Tini. *Towards a P systems normal form preserving step-by-step behaviour*, 6th Brainstorming Week on Membrane Computing (BWMC'08), RGNC Report, Fénix Editora, Sevilla, 2008.
- [114] R. Barbuti, G. Caravagna, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *An intermediate language for the simulation of biological systems*, Int. Workshop From Biology To Concurrency and back (FBTC'07), ENTCS 194 (3), pages 19–34, Elsevier, 2008.
- [115] D.P. Gruska, A. Maggiolo-Schettini and P. Milazzo. *Security in Communicating Hierarchical Transaction-based Timed Automata*, Int. Workshop on Concurrency, Specification and Programming (CS&P'07), pages 267–278, Warsaw Univeristy Press, 2007.
- [116] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, and A. Troina. *The Calculus of Looping Sequences for Modeling Biological Membranes*, Invited paper at the 8th Workshop on Membrane Computing (WMC8), LNCS 4860, pages 54-76, Springer, 2007.
- [117] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, and P. Milazzo. *Extending the Calculus of Looping Sequences to Model Protein Interaction at the Domain Level*, Int. Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA'07), LNBI 4463, pages 638–649, Springer, 2007.
- [118] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, and A. Troina. *Bisimulation congruences in the Calculus of Looping Sequences*, 3rd Int. Colloquium on Theoretical Aspects of Computing (ICTAC'06), LNCS 4281, pages 93–107, Springer, 2006.
- [119] R. Lanotte, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and A. Troina. *Modeling long-running transactions with Communicating Hierarchical Timed Automata*, 8th IFIP Int. Conference on Formal Methods for Open Object Based Distributed Systems (FMOODS'06), LNCS 4037, pages 108–122, Springer, 2006.
- [120] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and A. Troina. *A Calculus of Looping Sequences for modelling micro-biological systems*, Int. Workshop on Concurrency, Specification and Programming (CS&P'05), pages 29–40, Warsaw Univeristy Press, 2005.
- [121] S. Carpineti, C. Laneve and P. Milazzo. *BoPi: a distributed machine for experimenting Web Service technologies*, Int. Conference on Application of Concurrency to System Design (ACSD'05), pages 202–211, IEEE CS Press, 2005.
- [122] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, and A. Troina. *An alternative to Gillespie's algorithm for the simulation of chemical reactions*, Int. Conference on Computational Methods in Systems Biology (CMSB'05), pages 167–178, 2005.
- [123] R. Barbuti, S. Cataudella, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and A. Troina. *A probabilistic calculus for molecular systems*, Int. Workshop on Concurrency, Specification and Programming (CS&P'04), Informatik-Bericht 170, pages 202–216, Humboldt-Universitaet, 2004.

## Capitoli di libri

- [124] P. Milazzo. *Process Algebras in Systems Biology*, in Systems Biology Modelling and Analysis: Formal Bioinformatics Methods and Tools, Wiley, 2022.

- [125] R. Barbuti, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo, G. Pardini and S. Tini. *Systolic Automata and P Systems*, In: Computing with New Resources, pages 17-31), Springer International Publishing, 2014.
- [126] P. Milazzo, A. Del Corso, A. Maggiolo-Schettini, U. Mura and R. Barbuti. *Modelling Biochemical Pathways with the Calculus of Looping Sequences*, In: New Challenges for Cancer Systems Biomedicine, pages 105-125, Springer Milan, 2012.
- [127] R. Barbuti, G. Caravagna, A. Maggiolo-Schettini, P. Milazzo and G. Pardini. *The Calculus of Looping Sequences*, In: M. Bernardo, P. Degano and G. Zavattaro (Eds.), Formal Methods for Computational Systems Biology (SFM 2008), LNCS 5016, pages 387-423, Springer, 2008.

## Volumi

- [128] Special Issue of *Journal of Logical and Algebraic Methods in Programming (JLAMP)* on Computational modelling and data-driven techniques for systems analysis (V. Galpin and P. Milazzo eds.), Elsevier, in press.
- [129] Special issue of *Atti della Società Toscana di Scienze Naturali, Memorie B* for the conference “Tecnologie e innovazione per una gestione sostenibile dell’agricoltura, dell’ambiente e della biodiversità (Ti4AAB)” (R. Barbuti, S. Chessa, R. Fresco and P. Milazzo eds.), volume 125, 2018.
- [130] Software Technologies: Applications and Foundations. STAF 2016 Collocated workshops: DataMod, GCM, HOFM, MELO, SEMS, VeryComp (P. Milazzo, D. Varró and M. Wimmer eds.), LNCS 9946, Springer, 2016.
- [131] Proc. of the 1st Workshop on Applications of Membrane computing, Concurrency and Agent-based modelling in POPulation biology (P. Milazzo and M. de J. Pérez Jiménez eds.), ETPCS 33, 2010.

## Monografie

- [132] P. Milazzo. *Formal modeling in Systems Biology. An approach from Theoretical Computer Science*, VDM Verlag Dr. Müller, Saarbruecken, ISBN 978-38-36494-83-0, 2008.

## Riviste nazionali con revisione

- [133] P. Milazzo. *Computazione Naturale*, Portale Italiano di Filosofia Analitica (AphEx), ISSN 2036–9972, volume 10, 2014

## Tesi

- [134] P. Milazzo. *Qualitative and Quantitative Formal Modeling of Biological Systems*, PhD Thesis, University of Pisa, 2007.
- [135] P. Milazzo. *Implementation of a Distributed Programming Language*, MSc Thesis, University of Bologna, 2003.

DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DI CERTIFICAZIONE (art. 46 e art. 47 del DPR 445/2000)

Io sottoscritto Paolo Milazzo, Codice Fiscale MLZPLA79A31B249C, nato a Budrio (BO) il 31/01/1979, consapevole della responsabilità penale prevista, dall’art. 76 del D.P.R. 445/2000, per le ipotesi di falsità in atti e dichiarazioni mendaci ivi indicate, dichiaro che quanto riportato in questo curriculum corrisponde a verità ai sensi dell’art. 46 e seguenti del D.R.R. 445/2000.

Pisa, 8 giugno 2024.

Paolo Milazzo

(Documento firmato anche digitalmente)