

Query: DAIPGPLGPQSASLEGKVALVTGAGRGIGREMAMELGRRGCKVIVNYANSTESAEVVAIAIKKNGSDAACVKAN
|| ||| || | | |||| ||| |||| |

Optimal: DAMPGPMGPKSFNLKGKVALITGASSGIGRAIAKHAKNWWWVWWWDCWWWWWWWWWWCWWWWWWWWWWC

Query: VGVVEDIVRMFEEAVKIFGKLDIVCSNSGVVSFGHVKDVTPEEFDRVFTINTRGQFFVAREAYKHLEIGGRLIL

Optimal: WWWWWWCCWWWWWWWWWWWWWWWWWWNWWWWWWWWWWWWWWWWWWNWWWWWWWHWWWWWWWWWWWWWW

Query: MGSITGQAKAVPKHAVYSGSKGAIETFARCMAIDMADKKITVNVVAPGGIKTDMYHAVCREYIPNGENLSNEEV
||

Optimal: WIWWWWWWWWWWWWWWCCSKAWCWWWWWWWWWWAWWWWCCWWCWWCRWEWWDKMWWWWWWWWWWWWWW

Query: DEYAAVQWSPLRRVGLPIDIARVVCFLASNDGGWVTGKVIKIDGGACM

Optimal: WWWWWWWWWCWWWWWEDIAWAVVFLCSDESSYITGQIIHVDGGWTM
| ||| ||| | ||| |